

Curso de Análisis Filogenómicos

Fecha: 10 - 13 de octubre de 2016

Lugar: Museo Argentino de Ciencias Naturales “Bernardino Rivadavia”.

Ciudad Autónoma de Buenos Aires, Argentina.

El **Sistema Nacional de Datos Genómicos**, dependiente de la **Secretaría de Articulación Científico Tecnológica** (MINCyT), junto con el **Museo Argentino de Ciencias Naturales “Bernardino Rivadavia”** (CONICET), convocan a participar del curso de Análisis Filogenómicos.

Programa:

Día 1: Visión general sobre Secuenciación de Nueva Generación y “Big Data”. Diferentes tecnologías de NGS: genomas, transcriptomas, secuenciación masiva de elementos ultraconservados, RAD sequencing (Restriction site Associated DNA genotyping).

Día 2: Diseño experimental, de la muestra a las secuencias. Refinamiento de los datos crudos: eliminación de adaptadores, filtrado de secuencias de baja calidad y de agentes contaminantes. Ensamblado de transcriptomas y genomas.

Día 3: Construcción de matrices y factores confundidores en inferencia Superárboles y supermatrices: reconciliación entre árboles de genes y árboles de especies. Análisis I: Parsimonia. Análisis II: Máxima verosimilitud e Inferencia Bayesiana; dataciones.

Día 4: Trabajo de casos de estudio y evaluación.

Para consultas sobre el curso, ayuda económica para pasajes y viáticos, e inscripciones, escribir a:
sacatalano@gmail.com

Fecha de cierre de la inscripción: 30 de julio